

**Федеральное государственное бюджетное учреждение науки
Оренбургский федеральный исследовательский центр
Уральского отделения Российской академии наук**

**Обособленное структурное подразделение
Институт клеточного и внутриклеточного симбиоза
Уральского отделения Российской академии наук**

П Р И К А З

04 марта 2026 г.

№ 16

г. Оренбург

Об индексации цен на услуги
центра коллективного пользования научным
оборудованием «Персистенция микроорганизмов»

В связи с необходимостью индексации цен на услуги центра коллективного пользования научным оборудованием «Персистенция микроорганизмов» ИКВС УрО РАН (ЦКП ИКВС УрО РАН)

п р и к а з ы в а ю:

1. Установить с 04.03.2026 г. цены на типовые и нетиповые услуги ЦКП ИКВС УрО РАН для внутренних и внешних заказчиков, указанные в приложении № 1.
2. Довести до сведения научных сотрудников ИКВС УрО РАН обновленные цены.
3. Разместить на сайте ИКВС УрО РАН настоящий приказ и обновленные цены в соответствующих разделах.
4. Контроль за исполнением настоящего приказа оставляю за собой.

И.о. директора



Н.Б. Перунова

« 04 » марта 2026 г.

Перечень типовых услуг, оказываемых Центром коллективного пользования научным оборудованием «Персистенция микроорганизмов» ИКВС УрО РАН, и их стоимость

№ п/п	Наименование работы	Стоимость, руб. за 1 образец
1	Предоставление заказчику пробирок с консервантом ДНК для отбора и транспортировки материала, не включая стоимость транспортировки	30
2	Выделение ДНК фенол-хлороформным методом из биологического материала, предоставленного заказчиком с проверкой качества на спектрофотометре Nanodrop 8000	1800
3	Выделение ДНК коммерческим набором, не включая стоимость набора (набор зависит от типа образца)	650
4	Выделение РНК из биологического материала, предоставленного заказчиком с использованием TRIzol LS	2700
5	Приготовление лизата из образца методом механической гомогенизации без выделения ДНК	750
6	Электрофорез выделенной ДНК в агарозном геле	250
7	Очистка выделенной ДНК методом препаративного электрофореза в агарозном геле с концентрацией на частицах диоксида кремния	750
8	Оценка концентрации двухцепочечной ДНК на приборе Qubit 4.0	380
9	Оценка концентрации РНК на приборе Qubit 4.0	По запросу
10	Приготовление ампликоновой ДНК-библиотеки с индексами Nextera для секвенирования на приборах Illumina с измерением концентрации на Qubit 4.0	3600
11	Приготовление ампликоновой ДНК-библиотеки из сложного образца, загрязненного ингибиторами или с низкой концентрацией целевой ДНК (биоптаты, парафиновые срезы, микробиомы растений и др.) с индексами Nextera для секвенирования на приборах Illumina с измерением концентрации на Qubit 4.0	4500
12	Приготовление ДНК-библиотеки с помощью набора для пробоподготовки NEBNext Ultra II FS для секвенирования на приборах Illumina с измерением концентрации на приборе Qubit 4.0	18000
13	Приготовление РНК-библиотеки для оценки транскриптома с помощью наборов для пробоподготовки NEBNext UltraII Directional и QIAseq FastSelect/rRNA HMR Kit для секвенирования на приборах Illumina с измерением концентрации на приборе Qubit 4.0	По запросу
14	Приготовление библиотек для секвенирования на приборе MinION (Oxford Nanopore Technologies)	По запросу
15	Оформление протокола работы с образцами, включая результаты измерения концентраций и фотографии результатов электрофореза	5000

16	Секвенирование ампликоновой ДНК-библиотеки на приборе MiSeq Illumina (чтение 600 циклов по 300 с двух сторон)	4700
17	Секвенирование ампликоновой ДНК-библиотеки на приборе MiSeq Illumina (чтение 500 циклов по 250 с двух сторон)	3850
18	Полный запуск секвенирования 96 ампликоновых ДНК-библиотек на приборе Illumina MiSeq (чтение 600 циклов по 300 с двух сторон)	450000 за 96 образцов
19	Полный запуск секвенирования 96 ампликоновых ДНК-библиотек на приборе Illumina MiSeq (чтение 500 циклов по 250 с двух сторон)	366000 за 96 образцов
20	Секвенирование на приборе MinION (Oxford Nanopore Technologies)	По запросу
21	Проведение ПЦР на 96 реакций в режиме реального времени с праймерами и ДНК, предоставленными заказчиком	По запросу
22	Биоинформатический анализ результатов секвенирования, 1 час времени работы биоинформатика с использованием персонального компьютера	3500
23	Биоинформатический анализ результатов секвенирования на платформе Illumina одной ампликоновой библиотеки	2500
24	Биоинформатический анализ результатов секвенирования на платформе Illumina, включая сборку draft генома прокариот, 1 геномная библиотека	22000
25	Биоинформатический анализ результатов секвенирования на платформе Illumina, включая сборку транскриптома, 1 транскриптомная библиотека	По запросу
26	Биоинформатический анализ результатов секвенирования на платформе Oxford Nanopore, включая сборку генома, метагенома, транскриптома или метатранскриптома	По запросу
27	Оформление отчета по данным биоинформатического анализа результатов секвенирования одной ампликоновой ДНК-библиотеки	250
28	Подготовка файлов для статистического анализа с применением программного ресурса Microbiomeanalyst (https://www.microbiomeanalyst.ca/)	10000
29	Подготовка таблиц и рисунков по альфа-разнообразию, бета-разнообразию и таксономическому составу микробных сообществ с применением программного ресурса Microbiomeanalyst (https://www.microbiomeanalyst.ca/)	15000
30	Депонирование генома в международной базе данных GenBank, NCBI	10000
31	Лиофильное высушивание биологических образцов, включая бактериальные культуры, одна пробирка 1,5 мл	300
32	Лиофильное высушивание биологических образцов, включая бактериальные культуры, одна ампула 5 мл (не менее 10 ампул)	450
33	Лиофильное высушивание биологических образцов, один суточный сеанс, вне зависимости от количества образцов, но не более 2 л	3000
34	Пробоподготовка 1 образца к высокоэффективной жидкостной хроматографии	1800
35	Получение хроматографического профиля для 1 образца с помощью высокоэффективной жидкостной хроматографии	2880
36	Разработка методики разделения веществ в образце для получения хроматографического профиля с помощью высокоэффективной жидкостной хроматографии	28800